

仕様書

1. 件名

ゲノムシーケンシング業務委託

2. 作業概略

作業内容	: Whole Genome Sequencing (PCR フリー)
受入サンプルまたはデータ形式	: DNA
サンプル数 (実験群)	: 165 サンプル

3. データ取得仕様

アプリケーション	: Whole Genome Sequencing (PCR フリー)
使用試薬	: NEBNext Ultra II DNA Library Prep Kit
利用機器	: Illumina NovaSeq X Plus
取得リード長	: PE150 (150bp×2 paired-end)
取得データ量	: 1 G bases per sample
取得リード数	: 6.7 M reads per sample (3.3 M pairs)

4. 作業手順

- ・ 受領した DNA サンプルについてサンプルの品質確認を行う。
- ・ 品質基準を満たした、または委託者と合意したサンプルについて、前述の利用試薬を用いてシーケンスライブラリーを調製する。
- ・ 前述の仕様に基づき、シーケンスランを行う。

5. 納品物

- ・ raw data : FASTQ ファイル
- ・ md5 値 : TXT ファイル
- ・ 作業完了報告書 .pdf ファイル

6. 納期

契約締結の日から 2026 年 2 月 27 日まで

7. 納入形式

電磁的記録媒体 (USB メモリまたはハードディスクドライブ)

8. 納入場所

一般財団法人マリンオープンイノベーション機構

静岡県清水区日の出町 9 番 25 号 清水マリンビル 2 階

9. その他

本仕様書に定めのない事項については、速やかに担当者と協議を行い、双方合意のもとで作業を進めること。

以上