

## 次世代ゲノムシーケンシング解析業務委託仕様書

一般財団法人マリンオープンイノベーション機構を甲とし、\_\_\_\_\_を乙として締結した、次世代ゲノムシーケンシング解析業務委託契約については、当該契約書に定めるもののほか、この仕様書の定めるところによる。

なお、委託業務の内容に変更があったときは、両者別途協議の上、決定する。

### 1 業務概要

甲が提供した甲殻類および魚類由来のゲノム DNA を用いて、ロングリード次世代シーケンスによるゲノム配列の解析を行う

### 2 数量

ゲノム DNA 5 検体 (エビ類:1 検体、カニ類:1 検体、イワシ類:3 検体)

### 3 委託期間

契約締結の日から令和 3 年 3 月 10 日まで

### 4 業務内容

- (1) 甲から提供したゲノム DNA について、電気泳動及び蛍光定量(または紫外定量)により、受入サンプルの品質検定を行なうこと
- (2) 品質検定に合格したゲノム DNA について、磁気ビーズによる DNA 精製後、20kb を目安に可能な限り大きいサイズの SMRT Cell ライブラリ調製を行うこと。この際、20kb ライブラリの安定した調製に実績を考慮し E-st 標準プロトコルに従い作業を行うこと
- (3) Pacific Bioscience 社 PacBio Sequel II シーケンサーを使用して、以下の条件のデータを得ること
  - 3.1 標準プロトコルに準拠したロングリード世代シーケンシング解析を実施すること
  - 3.2 最大リード長は 40kb 以上を得ること
  - 3.3 解析塩基数の期待値は、HiFi CCS モードの場合 15~20Gb/SMRT Cell、CLR モードの場合 80~100Gb/SMRT Cell とする
- (4) シーケンスセル数は以下の通りとする
  - ・エビ類:3 SMRT Cell
  - ・カニ類:3 SMRT Cell
  - ・イワシ類:各 1 SMRT Cell

### 5 納品物

以下のデータを HDD に収録して納品すること

- ・作業完了報告書 1 部
- ・解析結果データ 1 式

## 6 納入場所

静岡県清水区日の出町9番25号 清水マリビル2階  
一般財団法人マリンオープンイノベーション機構

## 7 検査場所

静岡県清水区日の出町9番25号 清水マリビル2階  
一般財団法人マリンオープンイノベーション機構

## 8 担当者

一般財団法人マリンオープンイノベーション機構  
上席主幹研究員 齋藤 禎一

## 9 その他

- (1) サンプルの送付、解析方法の詳細については、担当者と打ち合わせを行うこと
- (2) サンプルの性状に問題があった場合は、サンプルの再調製や追加処理の相談をすること  
その場合には、事前確認の上、必要に応じて実施期間を変更する場合があります
- (3) 本仕様書に定めない事項に関して疑義が生じた場合は、その都度、甲と協議の上、業務を遂行すること
- (4) 品質マネジメントシステム国際規格 ISO9001:2015 認証を受けており、適切な作業品質管理を実行できること。また、本業務委託と同規模程度のプロジェクトを受託した実績を複数有し、その結果は論文と公開されていること